

GRUPOS DESTINATARIOS Y BENEFICIOS

Contribuimos a la preparación y respuesta de la sanidad pública ante posibles pandemias futuras consiguiendo:

1. Impacto en las infraestructuras y la preparación:

- Adaptación rápida y adecuación de la infraestructura de los laboratorios para mejorar la respuesta y sentar las bases de las necesidades futuras.
- Detección de nuevos linajes y variantes del SARS-CoV-2, de clados de gripe estacional y de genotipos específicos del VRS en la Comunidad para evaluar el riesgo y la circulación viral.
- Reforzar la capacidad de gestión de las distintas fases de circulación de estos virus.



2. Implicaciones para la política y para los responsables de la toma de decisiones:

- Puesta en marcha de la vigilancia integrada de los virus respiratorios para un seguimiento detallado de los mismos.
- Evaluación de intervenciones de salud pública, como la vacunación o el uso de antivirales, para apoyar las decisiones de las Autoridades Competentes.



3. Impacto en la salud del paciente:

- Detección y análisis de sospechas de infecciones respiratorias leves y graves en atención primaria y hospitales de las Regiones Autónomas en España.
- Seguimiento de nuevas variantes del SARS-CoV-2, de la gripe estacional y de genotipos del VRS en términos de gravedad y escape de anticuerpos neutralizantes.

- Identificación de la transmisión local de linajes y variantes específicas del SARS-CoV-2 (según la distribución geográfica), de la gripe estacional y diferentes genotipos del VRS.
- Evaluación de las pruebas de diagnóstico actuales (RT-qPCR) para mejorar la sensibilidad y la especificidad, contribuyendo al diagnóstico precoz (y al tratamiento clínico) de los pacientes infectados con nuevas variantes del SARS-CoV-2, de la gripe y del VRS.
- Reconocimiento de mutaciones virales asociadas a la gravedad de la enfermedad para optimizar las estrategias de tratamiento.
- Perfeccionamiento de los métodos de análisis de secuenciación para una clasificación precisa y armonizada de los virus circulantes.



PLAN DE TRABAJO



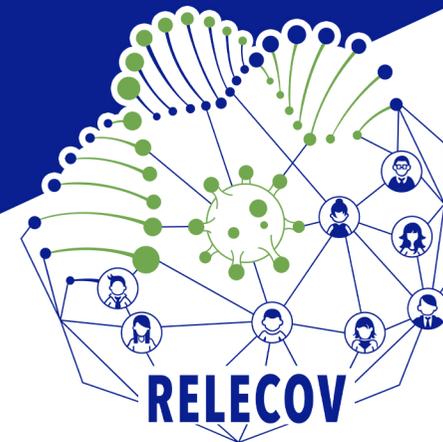
ENTREGABLES

- Plan de gestión.
- Estrategia de comunicación y visibilidad/ canales de difusión.
- Página web del proyecto.
- Folleto del proyecto.
- Descripción del mecanismo de transferencia de archivos y nomenclatura bioinformática.
- Informe RELECOV que describa cómo se divulgarán al dominio público los datos genómicos y las secuencias generadas (directrices GISAID y ENA y otras bases).
- Inclusión de los datos de secuenciación en el informe semanal.
- Informe de difusión.
- Informe de evaluación con indicadores clave de resultados.
- Actualizaciones de los informes de datos a ECDC-TESSy.
- Vigilancia genómica de las infecciones respiratorias víricas por SARS-CoV-2, gripe y VRS.
- Escanee el siguiente código QR para ver la tabla completa de entregables:

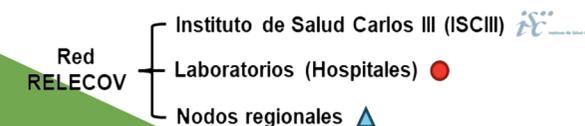
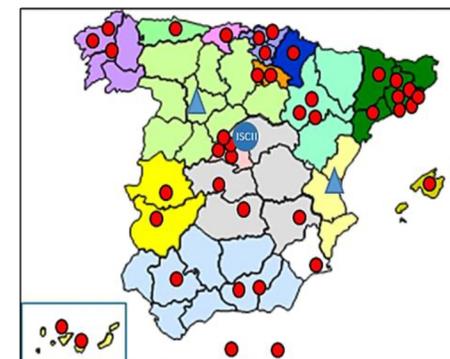


RELECOV 2.0

GA101113109
<https://relecov.isciii.es/>



CONSOLIDACIÓN DE LAS ACTIVIDADES DE WGS Y RT-PCR PARA SARS-CoV-2 EN ESPAÑA HACIA EL USO SOSTENIBLE Y LA INTEGRACIÓN DE INFRAESTRUCTURAS Y PROCESOS MEJORADOS EN LA RED RELECOV



El proyecto RELECOV 2.0 está cofinanciado por la Unión Europea (UE). No obstante, los puntos de vista y opiniones expresados son exclusivamente los del autor o autores y no reflejan necesariamente los de la UE ni los de la Agencia Ejecutiva Digital y Sanitaria Europea (HaDEA). Ni la UE ni la HaDEA pueden responsabilizarse de ellos.



RELECOV y SALUD PÚBLICA

Objetivo: Consolidación de una red nacional de laboratorios españoles (RELECOV) como plataforma sostenible y de colaboración con el fin de:

■ Obtener información virológica sobre las variantes/linajes del SARS-CoV-2, la gripe y el virus respiratorio sincitial (VRS).



■ Integrar la secuenciación genómica en la vigilancia de las infecciones respiratorias víricas (IRV).



Importancia: Identificación rápida de nuevas variantes para aplicar contramedidas médicas en España y mejorar la cooperación en la UE.

COORDINACIÓN

La red RELECOV está coordinada por el ISCIII, en colaboración con el Ministerio de Sanidad, representado por el Centro de Coordinación de Alertas y Emergencias (CCAES), como punto de contacto nacional.

El Centro Nacional de Microbiología (CNM-ISCIII), a través del Laboratorio de Referencia de Virus Respiratorios y Gripe (VRP-ISCIII), que es el Centro Nacional de Gripe de la Organización Mundial de la Salud (OMS) en España, gestiona los aspectos científico-técnicos relacionados con la secuenciación.

Las Unidades de Genómica y Bioinformática del ISCIII (GU-ISCIII y BU-ISCIII) participan directamente:

■ GU-ISCIII: Proporciona tecnología genómica de alta calidad y apoyo a la comunidad científica del ISCIII.

■ BU-ISCIII: Responsable de genómica computacional, análisis de secuencias, predicción de estructuras, informática científica y proteómica computacional.

LA RED

La red RELECOV, puesta en marcha en enero de 2021, está formada por 49 laboratorios distribuidos por las 17 Comunidades Autónomas (CCAA) españolas y las Ciudades Autónomas de Ceuta y Melilla.

Las autoridades de salud pública, principalmente a nivel de CCAA, fueron las encargadas de designar los laboratorios que actualmente componen la red.

Los laboratorios RELECOV aportan una dimensión europea y transnacional a los esfuerzos de investigación de España.

Uno de los puntos fuertes de la red es su experiencia en la armonización de protocolos, la puesta en común y el análisis de datos en España y Europa, y la comunicación de resultados. Todos los laboratorios tienen experiencia en la aplicación de los métodos más avanzados de secuenciación NGS.



PUNTOS CLAVE RELECOV

Al compartir los protocolos e integrar los resultados a nivel nacional, la respuesta es más eficaz que si las CCAA actuaran de forma aislada.

RELECOV debe integrarse y servir a los organismos de vigilancia de la salud pública a escala regional y nacional para contribuir rápidamente a la preparación y respuesta ante futuras amenazas sanitarias.

El objetivo es establecer una plataforma nacional de vigilancia genómica de las IRV y reforzar la preparación internacional frente a pandemias.



Actualmente, la red RELECOV analiza muestras clínicas de pacientes con Enfermedad Similar a la Gripe (ILI) e Infección Respiratoria Aguda Grave (SARI) de acuerdo con un protocolo común. La vigilancia integrada de SARS-CoV-2, gripe estacional y VRS en España se inició en septiembre de 2020 con el sistema SiVIRA (Sistema Integrado de Vigilancia Respiratoria).

PALABRAS CLAVE

- Vigilancia genómica.
- Estructura de la red: las CCAA (España) y Ciudades Autónomas.
- SARS-CoV-2.
- Gripe.
- VRS.
- Otros virus respiratorios.



OBJETIVO DE RELECOV

- Mejora del sistema de vigilancia de laboratorio en España mediante la implantación de la vigilancia genómica, a nivel regional, de las infecciones por SARS-CoV-2, gripe estacional y VRS, gracias a los avances en especialización técnica logrados por la red RELECOV.
- Consolidación de la plataforma RELECOV para la gestión, el análisis y la difusión de datos.

DATOS BÁSICOS DEL PROYECTO

- Programa: Programa EU4Health (EU4H) de la HaDEA.
- Título del proyecto: "Consolidación de las actividades de WGS y RT-PCR para SARS-CoV-2 en España hacia el uso sostenible y la integración de infraestructuras y procesos mejorados en la red RELECOV".
- Tipo de acción: Subvenciones directas para proyectos EU4H a las autoridades de los Estados miembros.
- Número y nombre del proyecto: 101113109 - RELECOV 2.0.
- Beneficiario: ISCIII.
- Convocatoria: EU4H-2022-DGA-MS-IBA-1.
- Tema: EU4H-2022-DGA-MS-IBA-01-02.
- Coordinadora: Dra. Inmaculada Casas. CNM-ISCIII.
- Duración del proyecto: 01/07/2023 - 30/06/2025 (24 meses); posibilidad de prórroga del proyecto por 9 meses hasta el 31/03/2026.
- Página web: <https://relecoiv.isciii.es>.

■ Puede visualizar la ficha técnica con estos datos escaneando el siguiente código de respuesta rápida (QR):

